



p26 Identificación de fuentes de resistencia contra *Clavibacter michiganensis* subsp. *michiganensis* en el cultivo de tomate

González, M.V.¹; Ferreira, V.²; Siri, M.I.²; González, M.³; Galván, G.A.¹

¹Departamento de Producción Vegetal, Centro Regional Sur (CRS), Facultad de Agronomía, UdelaR

²Área Microbiología, Departamento de Biociencias, Facultad de Química, UdelaR

³Estación Experimental Salto Grande, INIA

marcelag@fagro.edu.uy

El tomate (*Solanum lycopersicum* L.) es una de las cuatro hortalizas principales del Uruguay. Los problemas sanitarios en los cultivos repercuten negativamente en la rentabilidad y afectan el ingreso económico de los productores. Las bacterias son patógenos con gran incidencia en los cultivos protegidos y a campo en nuestro país. *Clavibacter michiganensis* subsp. *michiganensis* (Cmm) es una bacteria vascular que produce muerte de plantas, afectando la productividad de los cultivos. El objetivo de este trabajo fue evaluar el nivel de resistencia de 15 accesiones de tomate (9 de *S. lycopersicum*, 3 de *S. habrochaites* y 3 de *S. pimpinellifolium*) mediante inoculación con Cmm en condiciones controladas. La inoculación con Cmm se realizó en almacigueras, utilizando plantas de tomate de 45 días. En el tallo, se punzó por encima del pecíolo de la primera hoja verdadera con 1 µl de suspensión ajustada a 10⁸ ufc/mL de una cepa de Cmm de alta agresividad. Se utilizaron 9 plantas por cada una de las accesiones. Se realizaron tres evaluaciones, donde mediante una escala visual se asignaron niveles de severidad del 1 al 4 (1: planta sana; 4: planta con marchitez total). Dos de las accesiones con mejores respuestas (*S. lycopersicum*: IRAT-L3 y Ohio-4013), están reportadas como fuente de resistencia a bacteriosis, lo que valida las evaluaciones realizadas bajo nuestras condiciones de ensayo. Por otro lado, la especie *S. pimpinellifolium* se destacó frente a *S. lycopersicum* y *S. habrochaites* mostrando mayor resistencia a Cmm. Esta diferencia se observó en las tres fechas de evaluación, aunque la mayor diferencia se presentó en la primera fecha, por lo que la infección inicial del patógeno sería más lenta en *S. pimpinellifolium*. Actualmente se está evaluando la F2, de un cruzamiento entre Ohio-4013 y una accesión susceptible para analizar la base genética de la resistencia.

Financiamiento: Programa CSIC Grupos I+D - Bacterias fitopatógenas: mecanismos de resistencia hospedera y de interacción planta-patógeno.